

Sgonico, 04/10/2024

A chi di competenza

Oggetto: Richiesta di avvio procedura di affidamento della fornitura di un pacchetto prepagato per servizi di sequenziamento di acidi nucleici (account "bcatale") nell'ambito del Piano Nazionale di Ripresa e Resilienza (PNRR), Missione 4 "Istruzione e Ricerca" - Componente 2 "Dalla ricerca all'impresa", Linee di investimento 1.1 Fondo per il programma Nazionale della Ricerca (PNR) Progetto PLASTICAT, CUP MASTER C53D23003260006; CUP OGS F53D23003920008;

Gentile Direttore,

con la presente si richiede l'avvio di una procedura di affidamento per il servizio di sequenziamento di acidi nucleici nell'ambito del Piano Nazionale di Ripresa e Resilienza (PNRR), Missione 4 "Istruzione e Ricerca" - Componente 2 "Dalla ricerca all'impresa", Linee di investimento 1.1 Fondo per il programma Nazionale della Ricerca (PNR) e Progetti di Ricerca di Rilevante Interesse Nazionale (PRIN) Progetto PLASTICAT "The marine PLASTIsphere: from single Cell Activity To ecosystem impact" – PRIN 2022 (CUP MASTER C53D23003260006; CUP OGS F53D23003920008; comm_4637_art.91_n).

E' stato valutato, che al fine di garantire degli alti standard qualitativi e di riproducibilità delle analisi che hanno portato a diverse pubblicazioni scientifiche, risulta essenziale affidare il servizio in oggetto alla ditta BMR Genomics s.r.l. con sede legale in via Redipuglia 21/A – 35131, PADOVA C.F./P.I./R.I.-PD: 03888370289.

Si precisa che non sono stati considerati i Criteri Ambientali Minimi, in quanto non disponibili per il tipo di fornitura di cui trattasi.

Visto l'articolo 1 della legge 7 agosto 2012 n. 135, si è accertato che non risultano attive Convenzioni Consip.

La spesa di € 6,338.33 € comprensivo di IVA, trova copertura secondo la seguente tabella:

Servizio	Quantità	Descrizione
Sequenziamento di ampliconi su piattaforma Illumina MiSeq nel formato di sequenziamento Paired-End 300bp	89	caratterizzazione genetica delle comunità biologiche marine



Finanziato
dall'Unione europea
NextGenerationEU



Ministero
dell'Università
e della Ricerca



Italiadomani
PIANO NAZIONALE
DI RIPRESA E RESILIENZA



OGS

Istituto Nazionale
di Oceanografia
e di Geofisica
Sperimentale

Visto il D. Lgs. n. 81/2008 e s.m.i. e considerata la natura dei servizi complementari alla fornitura dei beni oggetto del contratto da stipulare non si è proceduto alla redazione del DUVRI ed alla valutazione dei costi della sicurezza per rischi da interferenza, quantificati in € 0,00.

Ringraziando per l'attenzione e restando a disposizione per ogni eventuale necessità, porgo i miei più cordiali saluti.

Nominativo richiedente

Mauro Celussi

Padova, 04/10/24

Spett.le Elisa Banchi, PhD;
Sezione di Oceanografia, National Institute of Oceanography and Applied
Geophysics – OGS;
Via Auguste Piccard n. 54 34151 Trieste - Italia
Phone: +39 040 2140721
E-mail: ebanchi@ogs.it

Riferimento offerta: 758-2024

OGGETTO: Offerta per sequenziamento di **89 ampliconi** su piattaforma Illumina MiSeq nel formato di sequenziamento Paired-End 300bp con output 100.000 reads/campione.

LAVORO

1. Accettazione campioni secondo requisiti.
2. Purificazione enzimatica.
3. Secondo step di amplificazione per l'attacco di adattatori ed index (Nextera XT index kit) per il sequenziamento ed identificazione dei campioni.
4. Normalizzazione e *multiplexing* dei campioni.
5. Sequenziamento su piattaforma Illumina MiSeq nel formato Paired End 2x300 bp.
6. Verifica dei risultati di sequenziamento.
7. Invio dei risultati tramite link su cloud Mega.

REQUISITI

1. **CAMPIONI:** il materiale in ingresso è rappresentato da **89 campioni di PCR (> 270-280 bp) non purificate** in strip da 0,2 ml con tappini in strip. Le PCR vanno verificate su gel dall'utente preventivamente in modo da evidenziare eventuali bande di dimeri (100-150bp).
2. **IDENTIFICAZIONE:** tutti i tubi devono essere identificati con il codice assegnato da BMR in fase di prenotazione.
3. **CONSERVAZIONE:** i campioni vanno tenuti tra +4°C e -80°C (ghiaccio secco), mantenere la catena del freddo ed evitare cicli di congelamento-scongelo.

4. **QUANTITÀ e QUALITÀ:** ogni amplicone fornito deve avere una concentrazione compresa tra 5 ng/ul e 20 ng/ul ed un volume minimo di 25 ul.

Nota I: è responsabilità dell'utente verificare che il campione contenga solo il DNA di interesse

Nota II: gli ampliconi inviati devono essere muniti di idonee code per l'attacco degli adattatori (Nextera XT Index kit - Illumina).

5. **SPEDIZIONE:** il materiale va inviato a seconda del metodo di conservazione, refrigerato a 4°C con siberini rigidi (non ghiaccio) o a -80° con ghiaccio secco.

Attenzione: *I campioni di ogni progetto dovranno essere spediti in un unico invio ed essere accettati entro la data di scadenza dell'offerta salvo accordi diversi.*

RISULTATI

1. I risultati saranno inviati tramite mail contenente link al cloud Mega.
2. Sequenze in Formato FastQ separate per ogni campione (attese circa 100.000 reads +/- 20%).
Nota: in caso di output inferiori, i campioni saranno ricaricati solo se i nostri controlli di fase non avranno prodotto i risultati attesi.

Gestione del dato di sequenziamento: i dati vengono conservati nei nostri server per un periodo di 30 giorni dalla consegna. In caso di necessità di proroga possiamo formulare un'offerta di hosting su piattaforma *cloud storage*.

GESTIONE DI FALLIMENTI E PROBLEMI

1. Campioni risultanti non conformi ai requisiti possono subire dei ritardi o non venire processati.
2. Gli ampliconi in ingresso *non saranno verificati* ma saranno avviati direttamente al sequenziamento e non è previsto il servizio di ricaricamento in caso di ottenimento di un numero inferiore di 100.000 reads (+/- 20%) se i nostri controlli di processo hanno dato esito atteso.
3. *Ampliconi che presentano bande doppie molto corte (100-150 bp) possono inficiare la qualità del campione e della run Miseq 300PE. Chiediamo cortesemente di purificare eventuali ampliconi doppi per eliminare tali bande aspecifiche.*

TEMPI: 4-8 settimane per la consegna dei risultati dall'accettazione.

COMUNICAZIONI: al termine del progetto e in caso di problemi.

FATTURA: emissione all'arrivo dell'ordine, pagamento a 30 giorni tramite bonifico bancario.

ACCESSO AL SERVIZIO

Se decide di accettare la nostra proposta, dovrà:

1. Nel caso non sia già nostro utente, dovrà registrarsi come nuovo utente alla pagina di "Registrazione" (<http://www.bmr-genomics.it/>, menù di "Accesso rapido");
2. Prenotare un Progetto Speciale con campioni singoli all'indirizzo <https://www.bmr-genomics.it/accesso-rapido/prenotazione/> > PROGETTI SPECIALI seguendo le istruzioni a seconda della modalità di pagamento scelta (scalato dal prepagato se presente, altrimenti invio del buono d'ordine). L'ID va riportato sul fianco dei tubini e la prenotazione firmata va spedita assieme ai campioni.

PREZZO

SERVIZIO	Costo singolo	numero	Totale
Sequenziamento 300PE (min 280 bp) output 100.000 reads/campione	€ 58,15	89	€ 5.175,35
Spese amministrative (non dovute in caso di utilizzo di prepagato attivo)	€ 20,00	1	€ 20,00
Totale			€ 5.195,35

Tutti i prezzi sono IVA esclusa.

L'aggiunta della spedizione con corriere convenzionato ha prezzo di 10 euro (1kg max).

Note:

Nel caso in cui l'utente decida di procedere con campioni giudicati non conformi sarà comunque addebitato l'intero importo del progetto.

VALIDITÀ:

L'offerta è valida fino al **03-12-2024**.

Quest'offerta annulla le versioni precedenti dell'offerta riportanti lo stesso numero di riferimento.

Firma

